**EI protocol**

**1. File-> New protocol**

(Default anatomy->No, use individual anatomy)

(Default channel file-> no, use one channel file per acquisition run)

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

**2. New subject**

(Default anatomy->No, use individual anatomy)

(Default channel file-> no, use one channel file per acquisition run)

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

**3. Pre-implantation MRI**

subject-> import MRI

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

yes

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

Click here to compute MNI normalization

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

maff8

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

**4. post-implantation MRI**

subject-> import MRI (DICOM or nii)

텍스트이(가) 표시된 사진

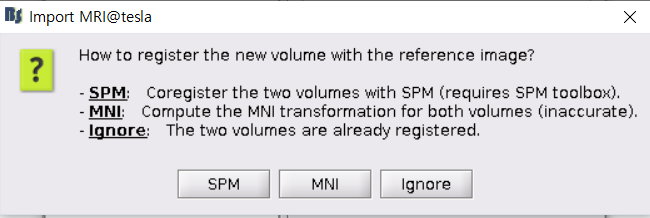
자동 생성된 설명

Yes

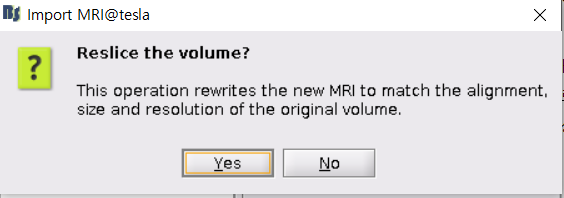
텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

ignore



Yes



**5. Generate SPM canonical surfaces**

Run->import->import anatomy->Generate SPM canonical surfaces-> run

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

Check the results

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

**6. Link the recordings**

Right-click on the subject folder > Review raw file

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

**7. Import sEEG locations**

Right-click on the subject folder > add eeg positions-> import from file

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

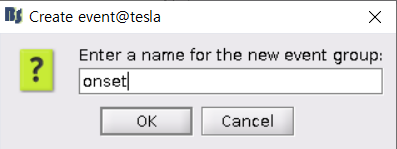
yes

텍스트이(가) 표시된 사진

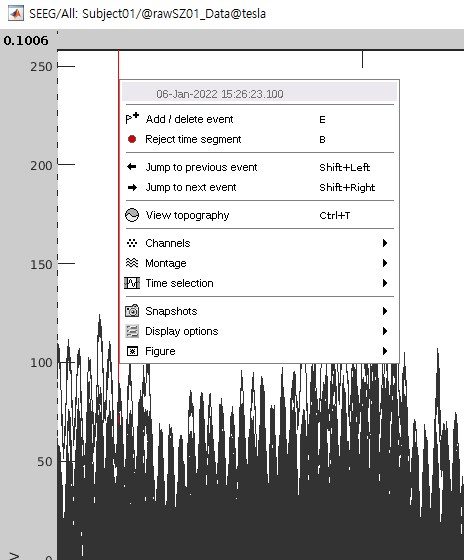
자동 생성된 설명

**8. Event marking**

Event->add group (onset, baseline)

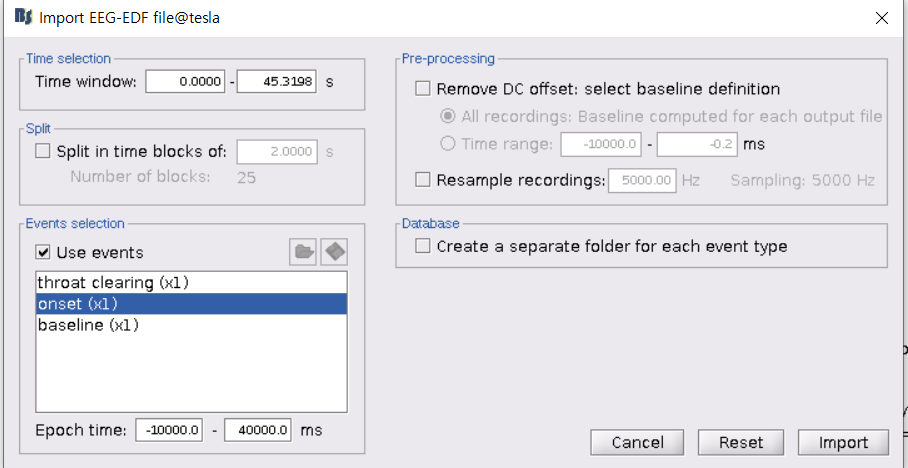


Right-click on the data-> Add event



**9. export from the data (onset, baseline)**

Right-click on the subject folder > import in database



Right-click on the subject folder > import in database



**10. elipeptogenecity maps**

Process2-> files A: baseline, file B: onset

텍스트이(가) 표시된 사진

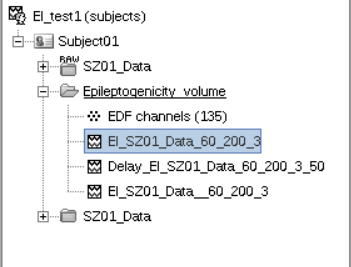
자동 생성된 설명

Run-> epilepsy-> elipeptogenecity maps

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

Result



When using tutorial data (in Same protocol, only difference is sEEG and location files)

텍스트이(가) 표시된 사진

자동 생성된 설명

